

تفاعل سلسلة متعدد البلمرة (PCR) وأنواعه

او يسمى تفاعل البوليميراز المتسلسل (Polymerase Chain Reaction - PCR) هو تقنية حيوية تُستخدم لتضخيم كميات صغيرة من الحمض النووي (DNA) إلى كميات كبيرة قابلة للتحليل. تم تطوير هذه التقنية في عام 1983 بواسطة كاري موليس، وأصبحت منذ ذلك الحين أداة أساسية في الأبحاث البيولوجية والطب الشرعي والتشخيص الجزيئي.

كل تفاعلات سلسلة متعدد البلمرة المتسلسل تستخدم إنزيم بلمرة مستقر حرارياً مثل Taq polymerase وهو إنزيم معزول من البكتيريا المحبة للحرارة ، يعمل هذا الإنزيم على تجميع سلسلة DNA جديدة من النيوكليوتيدات وذلك باستعمال سلسلة قصيرة مفردة كقالب (وتسمى ايضا البادئات) وهو مطلوبة لبدأ تصنيع الـ DNA .

معظم طرق تفاعل البلمرة تستخدم التدوير الحراري بمعنى انه يتم تسخين وتنجيد عينة تفاعل البلمرة المتسلسل وذلك طبقا لسلسلة خطوات حرارية محددة.

آلية عمل تقنية الـ PCR:

تعتمد تقنية الـ PCR على تكرار دورات متتابعة من ثلاثة خطوات رئيسية داخل جهاز المبلمر الحراري ويتم التحكم بدرجة الحرارة والوقت عن طريق برنامج خاص في الجهاز ، وهذه الخطوات تشمل :

1. **المسخ او الفصل (Denaturation):** يتم بتسخين العينة إلى درجة حرارة عالية (92° م - 98° م درجة مئوية) لفصل شريطي الـ DNA. ان احد اكبر اسباب فشل تفاعل الـ PCR هو عدم اكتمال عملية فصل سلسلتي الـ DNA ، ان الظروف المثالية لعملية المسخ (او الفصل) هي 95° م لمدة 30 ثانية أو 97° م لمدة 15 ثانية. وعموما فان درجة الحرارة العالية مناسبة خاصة مع تواجد كميات كبيرة من القواعد G-C (بسبب قوة الاصرة الثلاثية بينهما) ، كما ان المسخ غير المكتمل يؤدي الى اعادة التحام الـ DNA وهذا يؤدي الى قلة ناتج الـ PCR في حين يؤدي المسخ الطويل الى خسارة في فعالية إنزيم Taq polymerase .
2. **التصمييع او الارتباط (Annealing):** يتم تنجد العينة الى (55-75 درجة مئوية) لتمكن البادئات (Primers) من الارتباط بالسلسل المستهدف على DNA. ان درجة حرارة وطول الوقت المطلوب لارتباط البادئ يعتمد على موقع الارتباط وطول البادئ .
3. **الإطالة (Extension):** يتم رفع درجة الحرارة إلى حوالي 72 درجة مئوية، حيث يقوم إنزيم Taq Polymerase بتمديد السلسلة الجديدة باستخدام النيوكليوتيدات المتاحة.

يتم تكرار هذه الخطوات لعدة دورات (عادة 25-40 دورة) مما يؤدي إلى تضاعف الحمض النووي المستهدف بشكل أسي.

أنواع تقنية الـPCR:**1- الـPCR التقليدي (Conventional PCR or Standard PCR):**

- يستخدم لتضخيم تسلسل مفرد من الـDNA بطول اقل من 5Kb.
- يستخدم للتحري عن الجينات و الطفرات.
- يتطلب إجراء تحليل لاحق مثل الترحيل الكهربائي للهلام.

2- الـLong PCR:

- يستخدم لتضخيم تسلسل مفرد بين (40 Kb - 5 Kb)
- يستخدم للتحري عن الجينات الكبيرة (قطعة طويلة او جين كامل).

3- الـRAPD PCR:

- يستخدم لتضخيم قطع عشوائية غير معروفة من الحمض النووي باستخدام بادئ عشوائي واحد قصير عادة (10-8) قاعدة نتروجينية
- يستخدم لغرض المقارنة بين الـDNA للعزلات المتشابهة.

4- الـPCR الحظي (Real-Time PCR or qPCR):

- يتيح حساب كمية الحامض المتوفّر في النموذج
- يتيح تشخيص مثبتات الـPCR في خليط التفاعل.
- يتيح الكشف عن تضخيم الحمض النووي بشكل فوري خلال التفاعل.
- يستخدم أصباغ فلورية .
- يُستخدم على نطاق واسع في تشخيص الأمراض الفيروسية والبكتيرية.

5- الـPCR المتعدد (Multiplex PCR):

- يستخدم لتضخيم تسلسل متعدد وتكون طولها اقل من 5Kb. (تسلسل متعدد يعني عدة أهداف جينية في تفاعل واحد باستخدام أكثر من زوج من البادئات)
- يُستخدم في تشخيص الأمراض المعدية والاختبارات الجينية.

6- الـNested PCR:

- يتكون من تفاعلين PCR متsequبين، يستخدم التفاعل الثاني زوج من البادئات لتضخيم جين داخل ناتج التفاعل الأول.
- يستخدم في تضخيم القوالب الصعبة وقليلة التركيز.
- يستخدم عندما يكون التضخيم غير فعال بسبب وجود المثبتات ووجود بعض التراكيب الثانوية المعقدة.

-7 - (RT-PCR) Reverse Transcription PCR :

- يستخدم لتحليل الحمض النووي الريبي (RNA) عن طريق تحويله أولاً إلى DNA باستخدام إنزيم النسخ العكسي.
- يُستخدم في الكشف عن الفيروسات ذات الحمض النووي الريبي مثل فيروس كورونا.

-8 - (dPCR) Digital PCR :

- تقنية حديثة تُستخدم لتحليل كميات منخفضة جدًا من RNA أو DNA.
- توفر دقة عالية للكشف عن الطفرات النادرة وتحديد عدد النسخ الجينية.