



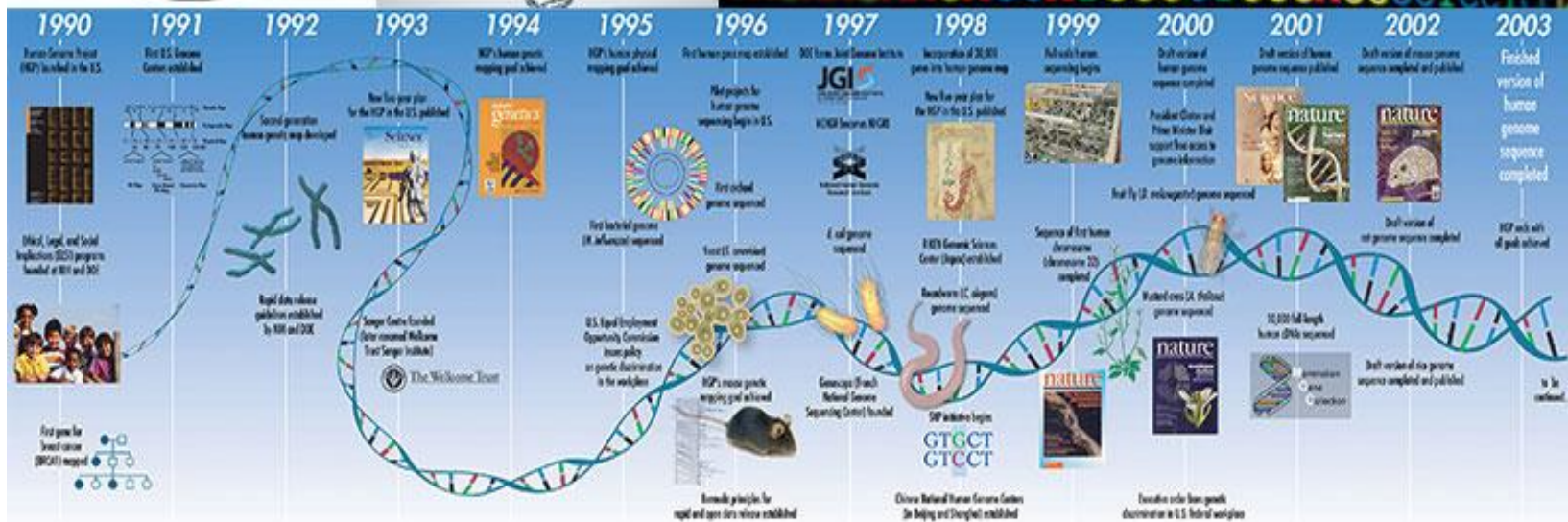
تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية

د. طلال سبهان صالح
قسم الفيزياء الحياتية
كلية العلوم
جامعة الموصل

تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



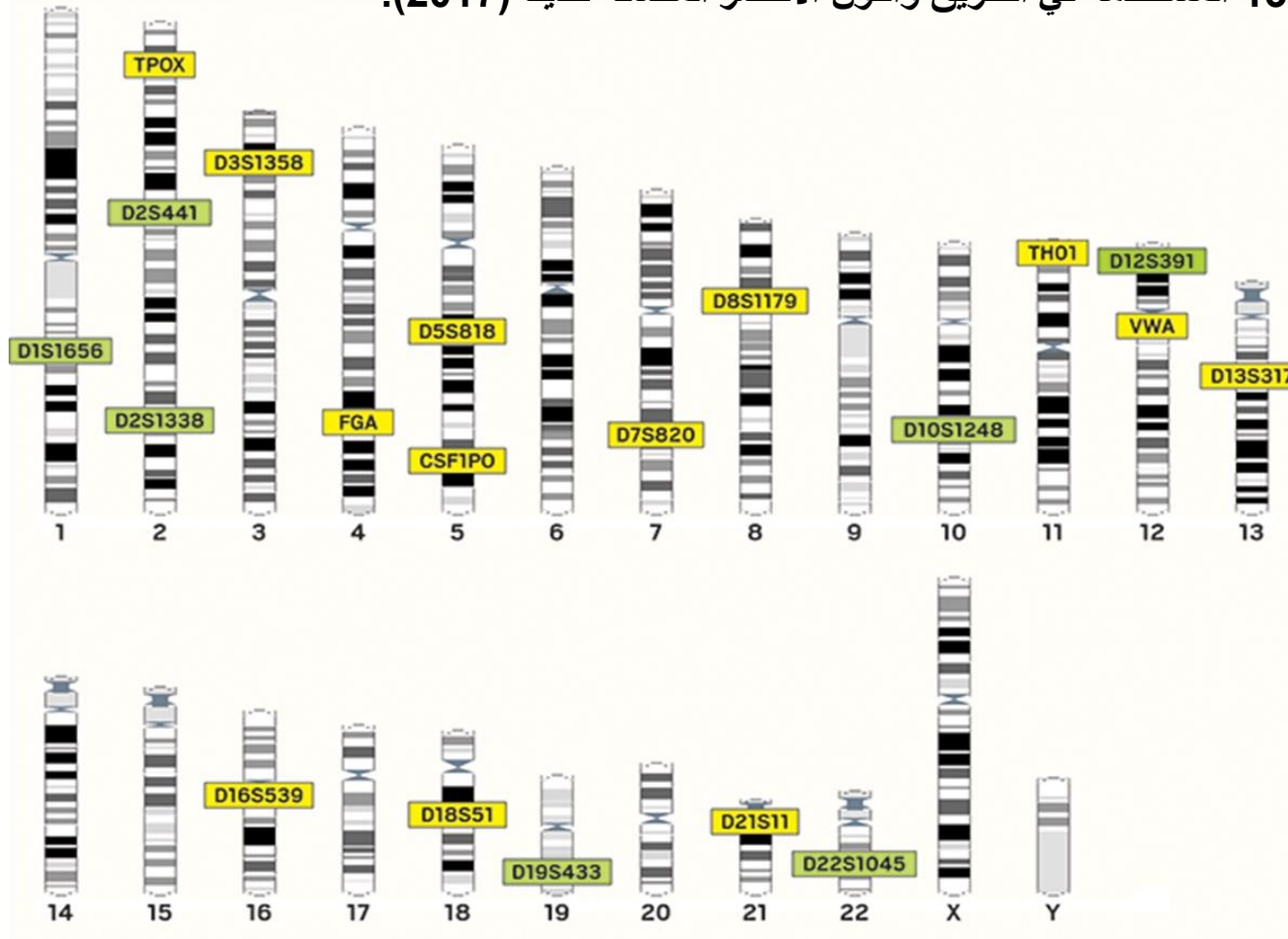
المشروع العالمي للجينوم البشري



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



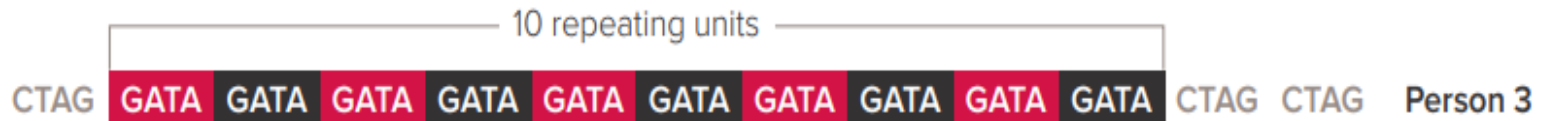
شكل: تتابعات STR المستخدمة من قبل قاعدة البيانات الامريكية CODIS الموزعة على الجينوم البشري. اللون الاصفر المواقع ال 13 المستخدمة في التفريق واللون الاخضر المضافة حديثا (2017).



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



حالة (1): تطابق تنابعات الحامض النووي الجنائي لعينة من الاشخاص.



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



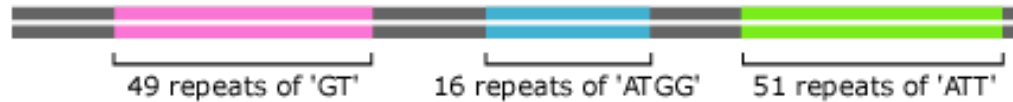
حالة (2): تطابق تتابعات الحامض النووي الجنائي للضحية والمشتبه بهم.

1. Section of victim's DNA:



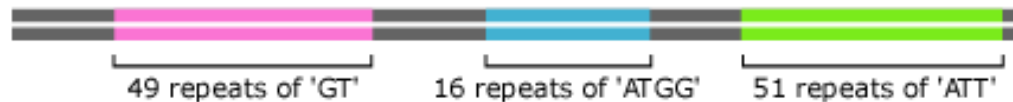
There are three regions of repetitive DNA.

2. Section of suspect's DNA:



The same three regions of repetitive DNA are present here, but some include different numbers of repeats. Now let's compare this sample to...

3. Section of DNA from crime scene hair:

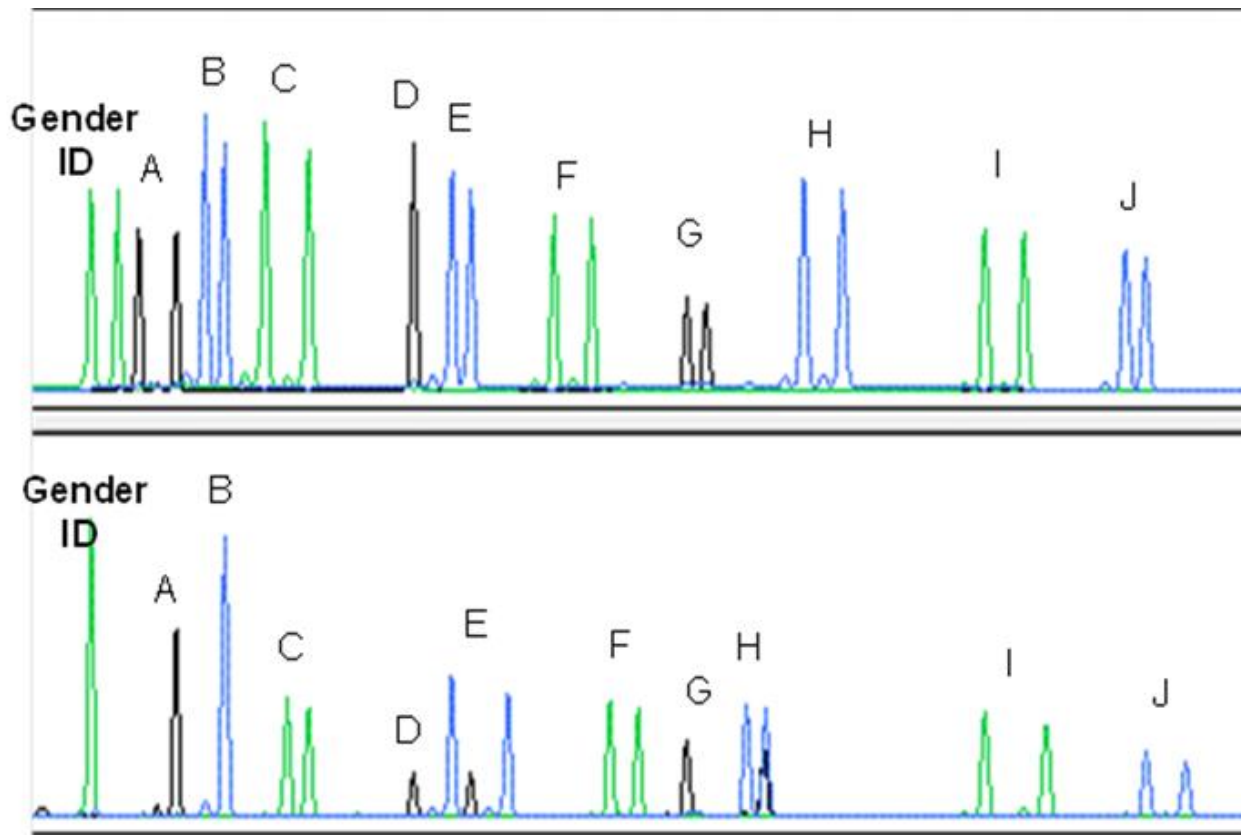


The lengths of the repetitive sequences match the lengths in the suspect's DNA — so the DNA found at the crime scene belongs to the suspect.

تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



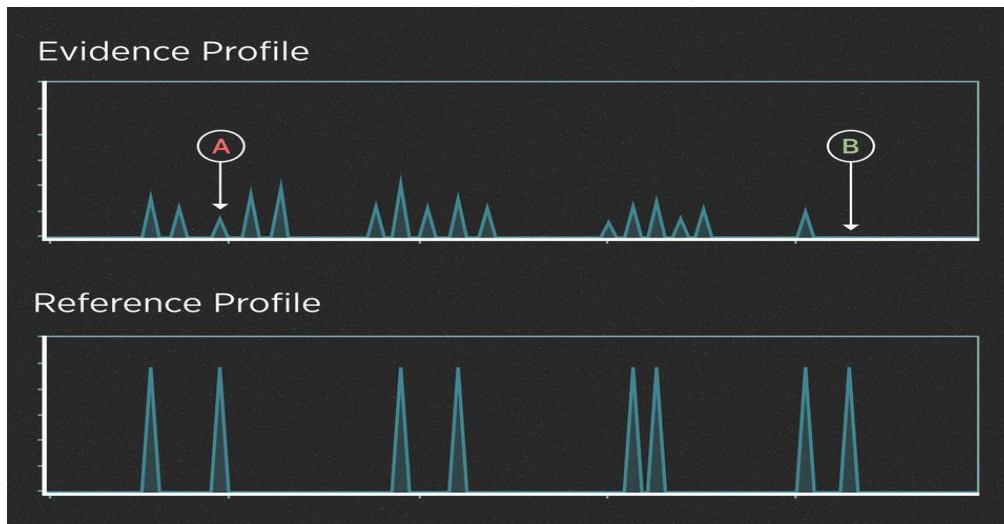
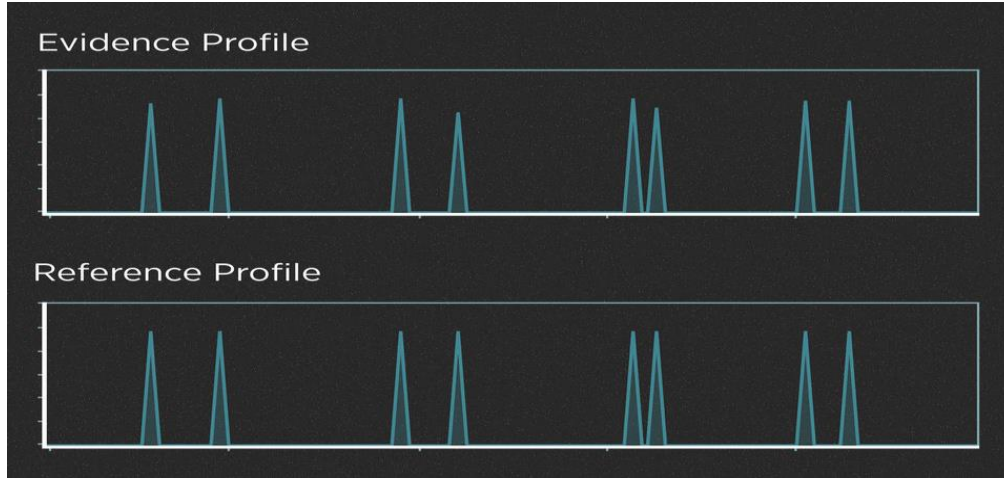
حالة (3): معرفة التتابعات من كلا الابوين في عدة مواقع مع معرفة جنس الشخص.



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



حالة (4): خليط من الحامض النووي الجنائي.



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



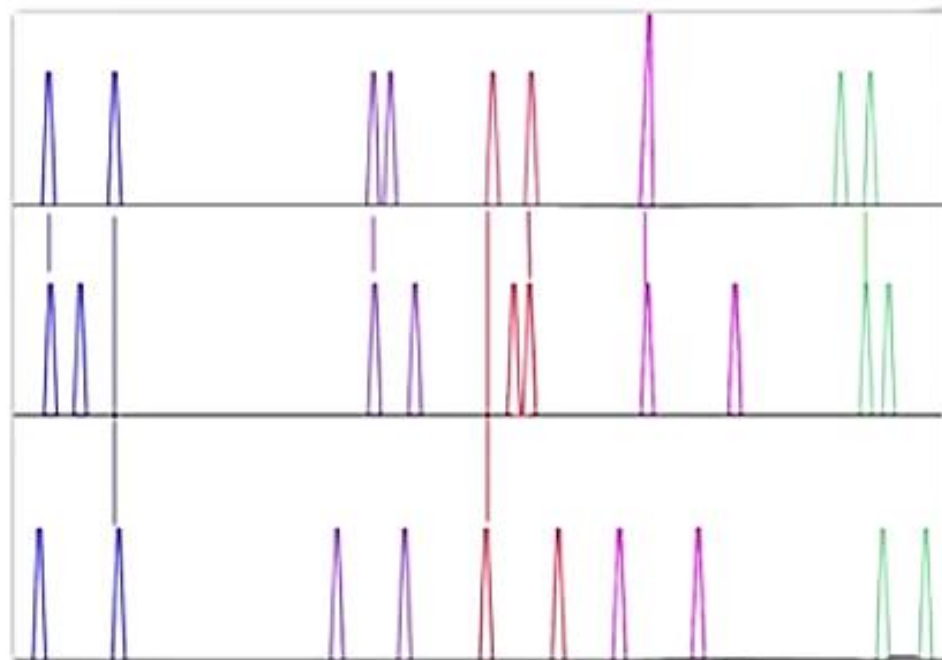
حالة (5): اختبار ادعاء الامومة والابوة.

Paternity & Maternity Testing

Child

Mother

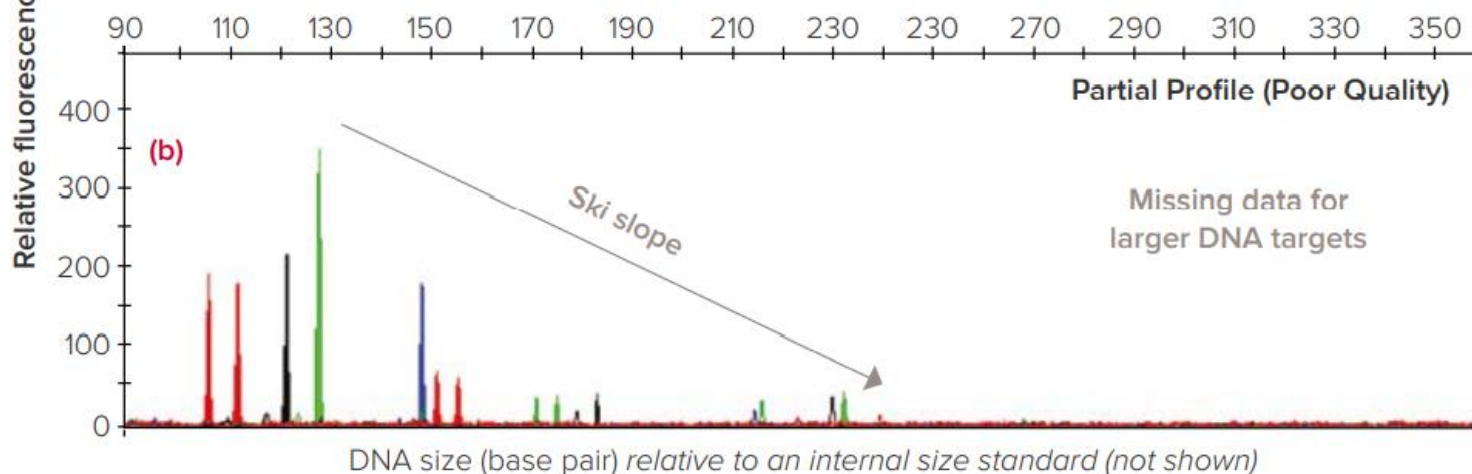
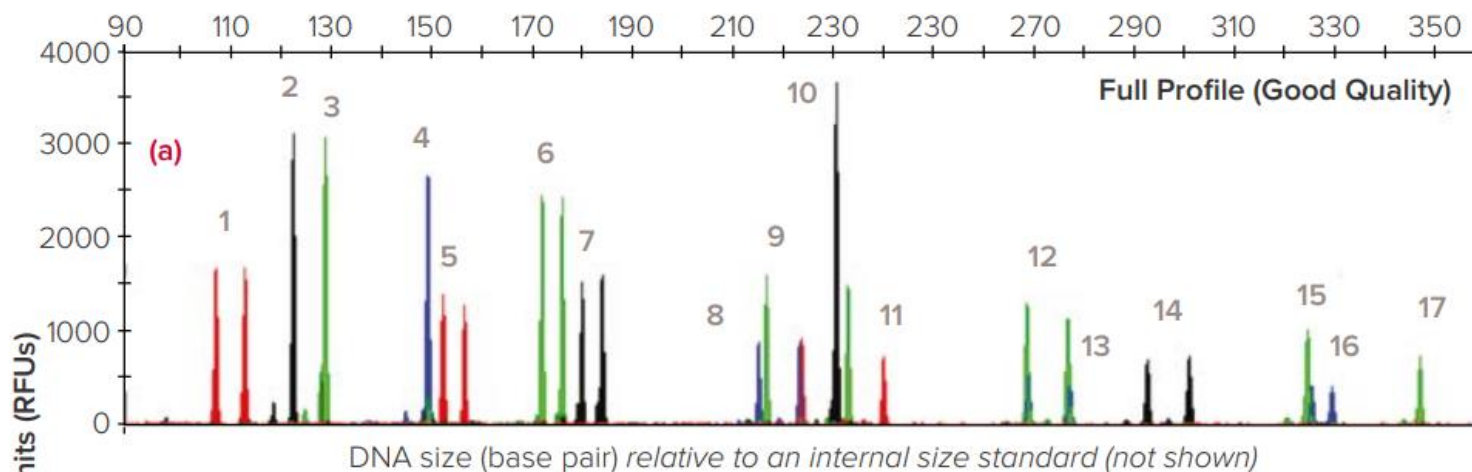
Alleged
Father



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



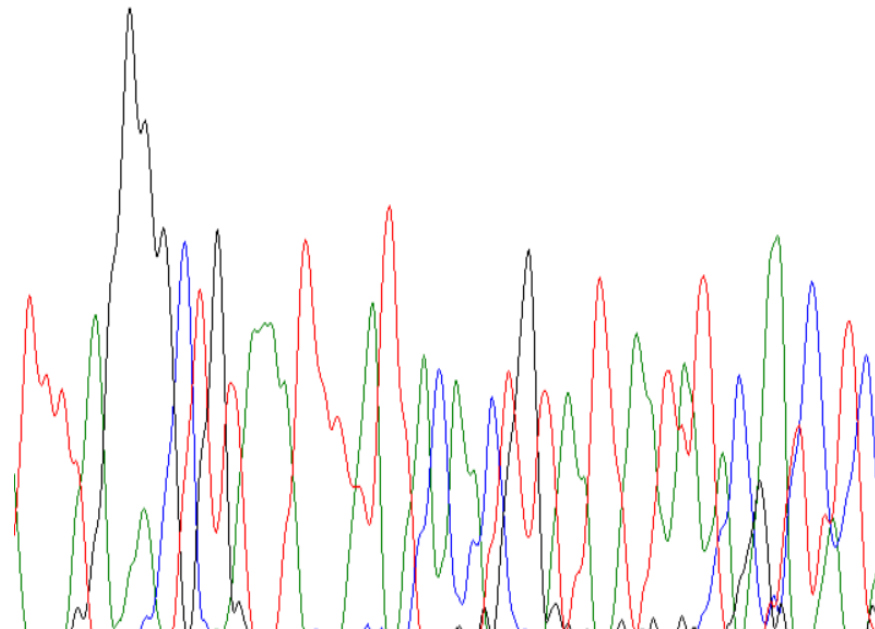
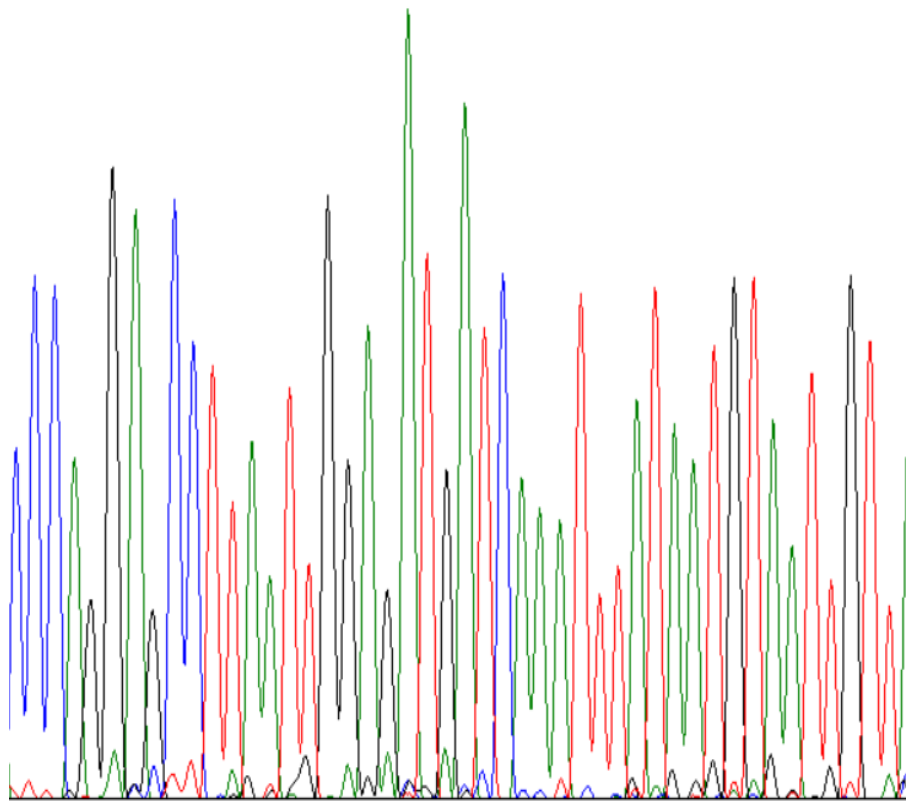
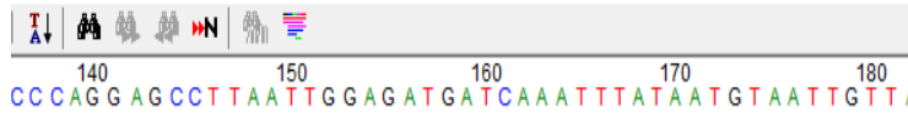
حالة (6): قبول او رفض نتائج التحليل اعتمادا على جودة الحامض النووي.



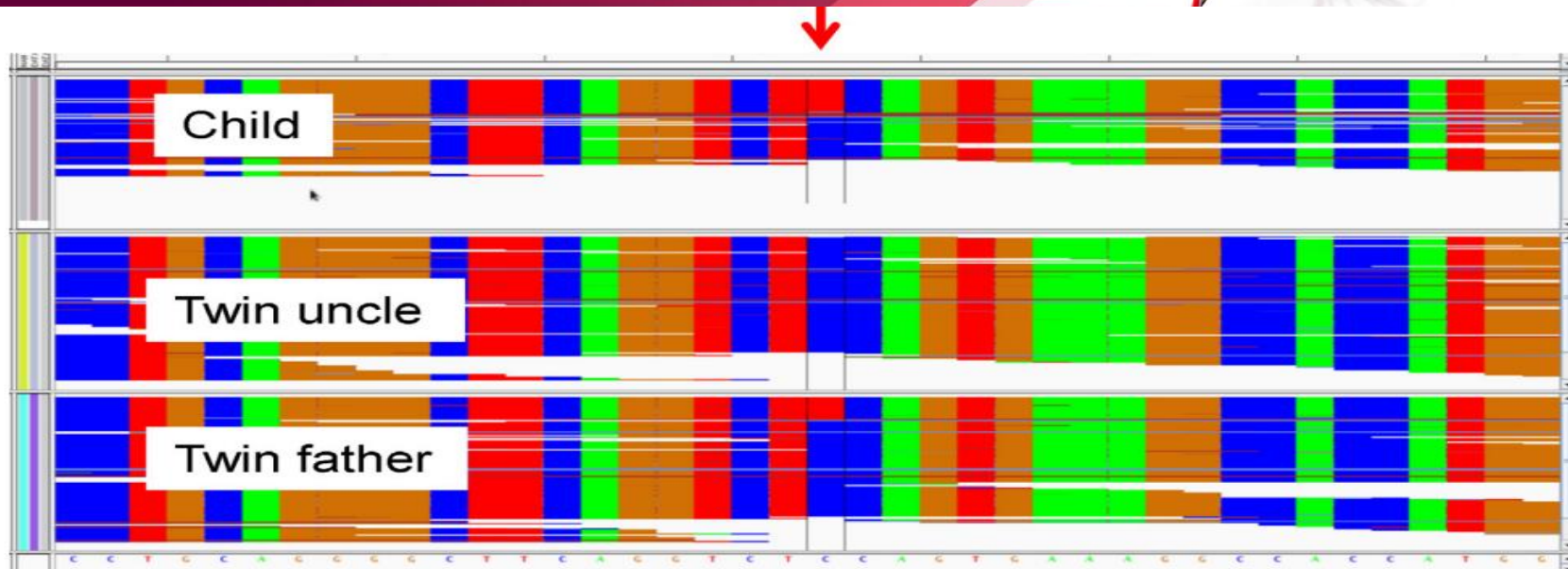
تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



حالة (6): قبول او رفض نتائج التحليل اعتمادا على جودة الحامض النووي.

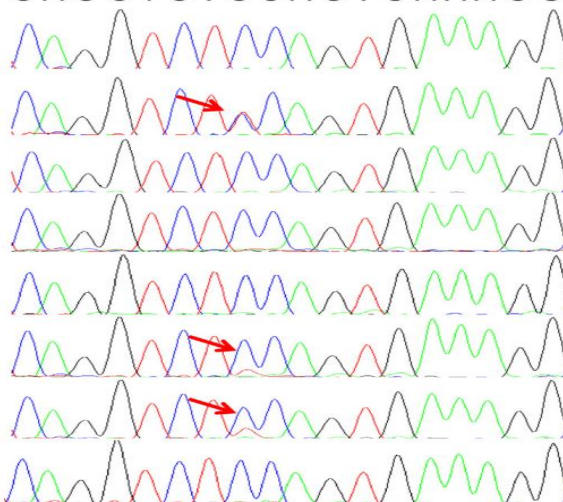


تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



حالة (7): التفريق بين التوائم المتطابقة
Identical Twins

C A G G T C T C C A G T G A A A G G



Mother

Child

Twin uncle
buccal mucosa

Twin uncle sperm

Twin uncle blood

Twin father
buccal mucosa

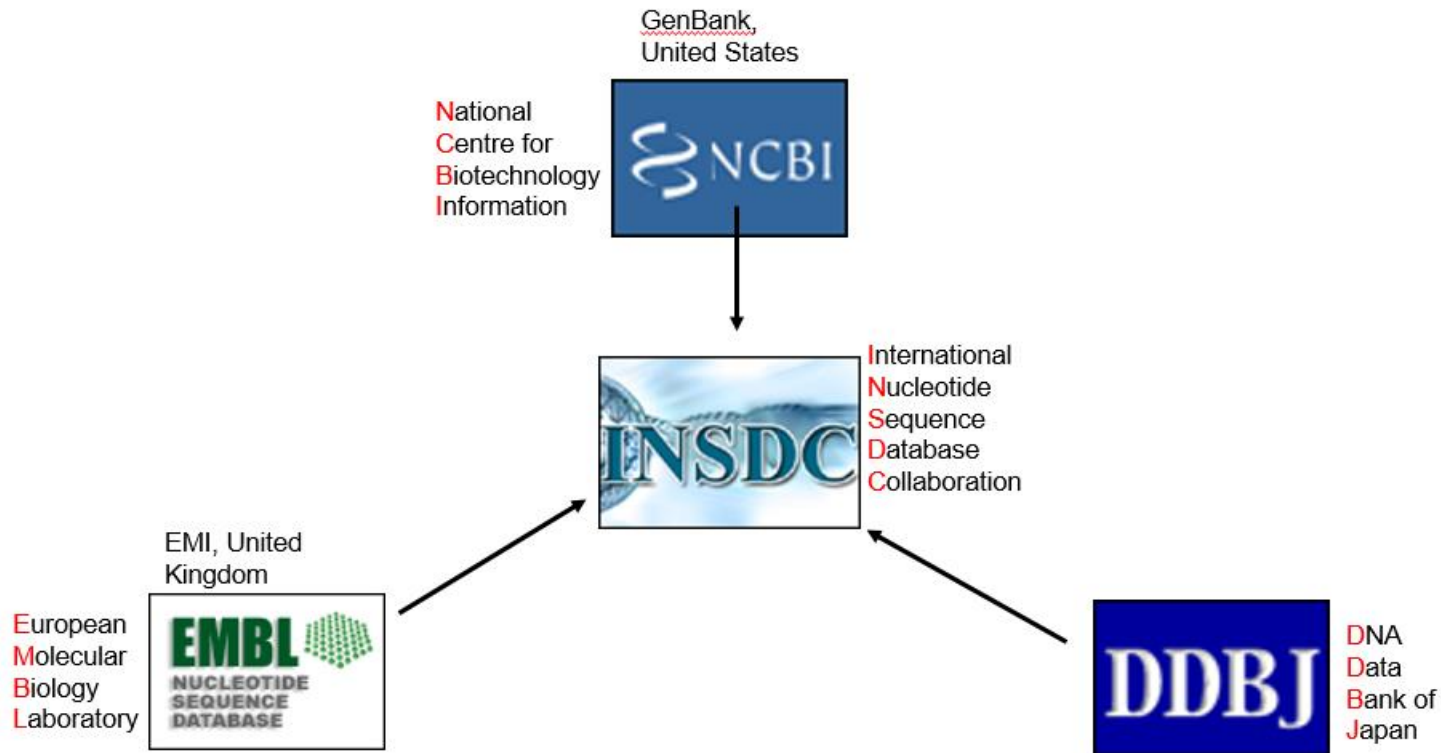
Twin father sperm

Twin father blood

تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



قواعد البيانات العالمية للحامض النووي DNA.



تحليل وتفسير النتائج باستخدام برامج المعلوماتية الحياتية وقواعد البيانات الجينية



قواعد بيانات خاصة (حكومية) للحمض النووي الجنائي **Forensic DNA**

The Combined DNA Index System (CODIS) (USA & CANADA)

The UK National DNA Database (NDNAD) (UK)

The Prüm System (Germany and Europe).

برامج وادوات تجارية ومرخصة للحمض النووي الجنائي **Forensic DNA**

MDKAP (Mass Disaster Kinship Analysis Program) , VARSEQ , GeneMatch,

TrueAllele software, GeneMarker®HID, MaSTR™, Mitotyping, eDNA,

ForeStatistics, DNAXs 2.0, DNAmixtures, MixtureCalc v1.2, likeLTD,

GeneMapper ID-X, XCeGaT, GenAlEx Software, Arlequin Software,

POPTREE Program, PAST Software, STRUCTURE Software,



شكرا لحسن الاستماع

